



genetic PCR solutions™

30 years' experience, packed in microtubes

CoVID-19 N/S RT-qPCR Duplex formato F100 100 tests

Detección genética de
SARS-CoV-2 S gene
SARS-CoV-2 N gene



Número de Licencia Sanitaria de Funcionamiento de
Instalación de Productos Sanitarios; 7722-PS

Edición E01 (01/2025)

AVISOS, RENUNCIAS Y MARCAS

Los productos incluidos en el presente kit se venden para su uso en aplicaciones de Diagnóstico In Vitro (CE-IVD). No pueden ser revendidos, distribuidos o reempaquetados sin la autorización expresa por escrito de GPS™. Las secuencias de cebadores y sondas contenidas en este producto son una propiedad industrial desarrollada por GPS™.

GPS™ es una marca registrada de GENETIC ANALYSIS STRATEGIES SL. La compra de este producto no debe interpretarse como una autorización o licencia implícita bajo ningún derecho de patente propiedad de otras entidades.

ÍNDICE

DESCRIPCIÓN	2
ESPECIE DESTINO Y NATURALEZA DE LA MUESTRA	2
PRINCIPIO DEL MÉTODO	3
CONTENIDO DEL KIT	3
CONDICIONES DE ALMACENAMIENTO	4
MATERIALES REQUERIDOS PERO NO PROVISTOS	4
NOTAS IMPORTANTES	5
ADVERTENCIAS Y PRECAUCIONES	5
PROTOCOLO DE RESUSPENSIÓN	6
PREPARACIÓN DEL POSITIVE CONTROL	6
PREPARACIÓN DE LA DILUCIÓN DECIMAL.....	7
PROTOCOLO DE PCR.....	8
RÉGIMEN DE AMPLIFICACIÓN	9
CONTROLES DE REACCIÓN RECOMENDADOS	10
INTERPRETACIÓN DE RESULTADOS	11
EVALUACIÓN FUNCIONAMIENTO Y EVIDENCIA CLÍNICA	13
CERTIFICADO DE ANÁLISIS.....	16
REQUISITOS REGLAMENTARIOS	16
INFORMACIÓN DE CONTACTO	16
SÍMBOLOS ARMONIZADOS Y ABREVIATURAS	17

DESCRIPCIÓN

El **CoVID-19 N/S RT-qPCR Duplex** comprende una serie de reactivos específicos para diagnóstico clínico humano, diseñados para la detección del **SARS-CoV-2 S gene** y **SARS-CoV-2 N gene** mediante qPCR multiplex. SARS-CoV-2 es un virus con envuelta y genoma de RNA monocatenario de sentido positivo que pertenece a la familia Coronaviridae y al género *Betacoronavirus*. El SARS-CoV-2 causa el CoVID-19, la enfermedad respiratoria responsable de la pandemia declarada el 11 de marzo de 2020 por la Organización Mundial de la Salud (OMS). El virus se propaga principalmente entre las personas a través del contacto cercano y a través de las gotitas respiratorias producidas por la tos o los estornudos. El ensayo contiene dos dianas, una para el gen S y otra para el gen N, según lo recomendado por los Centros para el Control y la Prevención de Enfermedades (CDC). El producto está bajo un intenso Post Market Surveillance Plan (PMSP) mediante revisiones periódicas de los datos de secuencias recién descritas y mediante la validación de pruebas utilizando materiales de referencia.

Tanto DNA como RNA sintéticos se han utilizado para obtener la curva de calibración.

ESPECIE DESTINO Y NATURALEZA DE LA MUESTRA

El ensayo está diseñado para su uso en muestras respiratorias humanas, específicamente hisopos nasofaríngeos.

PRINCIPIO DEL MÉTODO

La reacción en cadena de la polimerasa (PCR) permite la amplificación de una región diana de un molde DNA usando oligonucleótidos específicos. En la PCR retrotranscrita a tiempo real (RT-qPCR), el RNA es transcrito a DNA complementario por una transcriptasa reversa. El producto amplificado acumulado puede ser detectado en cada ciclo mediante marcadores fluorescentes. Esta señal creciente, permite lograr una detección y cuantificación de patógenos con elevada sensibilidad.

CONTENIDO DEL KIT

TargetSpecies RT-qPCR Duplex-mix (TUBO ÁMBAR), contiene una mezcla deshidratada de cebadores y sonda específicos para la detección de **S gene** y **N gene**. 100 reacciones.

Resuspension buffer (TAPÓN BLANCO), 130 µl

DNase/RNase free water (TAPÓN VERDE), 1.5 ml

Internal Control qPCR-mix (TUBO ÁMBAR), contiene una mezcla deshidratada de cebadores, sonda y molde DNA para conseguir un control interno adecuado de la PCR. 100 reacciones

GPS™-mix-RT (TAPÓN AZUL), es una mastermix 4X en solución que contiene una polimerasa, retrotranscriptasa, dNTPs y tampón. 500 µl, 100 reacciones

Positive Control (TAPÓN NARANJA), molde deshidratado de la diana para el control positivo.

Template buffer (TAPÓN NEGRO), exclusivo para la resuspensión del Positive Control, 150 µl

CONDICIONES DE ALMACENAMIENTO

Todos los componentes del **CoVID-19 N/S RT-qPCR Duplex** son estables a temperatura ambiente para su transporte. Tras su llegada deben ser almacenados entre -15 y -25 °C si no van a ser utilizados inmediatamente. El producto es estable durante un año (ver fecha de caducidad en la etiqueta).

Para el **Positive Control** (**TAPÓN NARANJA**) recomendamos, una vez disuelto, almacenar entre -15 y -25 °C **en una caja exclusiva**.

MATERIALES REQUERIDOS PERO NO PROVISTOS

- Kit de extracción de ácidos nucleicos, es necesario un método apropiado de purificación para obtener DNA o RNA puro libre de inhibidores de la PCR
- Agua libre de DNasas/RNasas y tubos de baja retención certificados para la preparación de la dilución decimal en caso de cuantificación
- Micropipetas y puntas de pipeta estériles con filtro
- Tubos de qPCR, tiras o placas
- Mezclador vórtex y centrifuga de bajas revoluciones
- Bloque de enfriamiento
- Equipo de PCR a Tiempo Real que debe leer en los canales FAM y Cy5 (dianas) y el canal VIC/HEX/JOE (control interno)

NOTAS IMPORTANTES

- Para su uso en Diagnóstico In Vitro (IVD).
- Para evitar un mal uso, lea atentamente el manual.
- Se requiere un especialista con la formación adecuada en biología molecular para el correcto funcionamiento del kit.
- De acuerdo con las buenas prácticas de laboratorio, use siempre bata, guantes desechables y gafas protectoras.
- Todos los instrumentos utilizados deben ser verificados y calibrados de acuerdo con las recomendaciones del fabricante.
- Las muestras son material potencialmente infeccioso, tome medidas adecuadas para la contención y siga las precauciones de bioseguridad.
- Cualquier tipo de muestra puede analizarse con este ensayo tras la extracción apropiada del material genético.

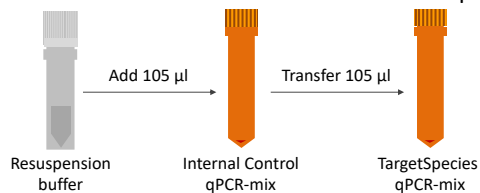
ADVERTENCIAS Y PRECAUCIONES

- ⚠ Para evitar contaminación de micropipetas, use puntas estériles con filtro.
- ⚠ Las micropipetas utilizadas para diluir el Positive Control no deben utilizarse para otros reactivos de la PCR.
- ⚠ Extraer, almacenar y preparar los materiales positivos (muestras, controles positivos y productos de PCR) en un entorno independiente.
- ⚠ Para disminuir el riesgo de contaminación, recomendamos que todo el pipeteo se realice en un ambiente limpio de PCR. Idealmente, un laboratorio específico para PCR o una cabina de PCR.
- ⚠ Para evitar la contaminación cruzada con el control positivo, pipetear después de cerrar los tubos del control negativo y las muestras.
- ⚠ El flujo de trabajo en el laboratorio debe ser unidireccional, desde el área de preamplificación limpia hasta el área de amplificación.
- ⚠ Mantenga los reactivos en un bloque frío.
- ⚠ Proteger los cebadores/sonda de una exposición prolongada a la luz.
- ⚠ Para virus dsRNA, preincubar la muestra a 95 °C durante 5 minutos.
- ⚠ Cualquier incidencia relacionada con el producto, debe ser informada a GPS™ (ver INFORMACIÓN DE CONTACTO).

PROTOCOLO DE RESUSPENSIÓN

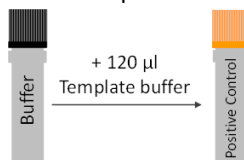
Resuspensión de TargetSpecies RT-qPCR Duplex-mix con Internal Control

Para la reconstitución del **Internal Control qPCR-mix (TUBO ÁMBAR)** y el **TargetSpecies RT-qPCR Duplex-mix (TUBO ÁMBAR)**, realizar un pulso de centrifuga para asegurar que todo el producto deshidratado va a la parte inferior del tubo antes de abrirlo. Añadir 105 µl de **Resuspension buffer (TAPÓN BLANCO)** al **Internal Control qPCR-mix (TUBO ÁMBAR)**, resuspender el tubo mediante vórtex, y recolectar el volumen en la parte inferior mediante un pulso de centrifuga. Transferir el volumen al tubo de **TargetSpecies RT-qPCR Duplex-mix (TUBO ÁMBAR)**, resuspender nuevamente el tubo mediante vórtex, y recolectar el volumen en la parte inferior mediante un pulso de centrifuga. Utilizar 1 µl de esta suspensión en las reacciones de PCR con un volumen final de 20 µl.



PREPARACIÓN DEL POSITIVE CONTROL

El **Positive Control (TAPÓN NARANJA)** sellado contiene un molde puro y existe un riesgo significativo de contaminación. Para evitar la contaminación, por favor, siga las recomendaciones de la sección ADVERTENCIAS Y PRECAUCIONES de este manual. Para preparar el **Positive Control (TAPÓN NARANJA)** realizar un pulso de centrifuga, reconstituir con 120 µl de **Template Buffer (TAPÓN NEGRO)**, mezclar bien mediante vórtex y realizar un pulso de centrifuga.

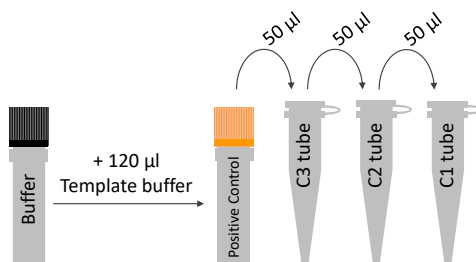


Pipetear 5 μl del molde en cada pocillo/tubo de acuerdo con la configuración de la placa. El volumen final en cada pocillo de reacción de qPCR es de 20 μl .

PREPARACIÓN DE LA DILUCIÓN DECIMAL

Cuando se requiera cuantificación, se pueden preparar las siguientes diluciones.

- 1) Pipetear 450 μl de **agua libre de DNAsas/RNAsas** (no incluida) en tres tubos y rotular de C3 a C1
- 2) Realizar un pulso de centrifuga al **Positive Control (TAPÓN NARANJA)**, reconstituir con 120 μl de **Template buffer** (TAPÓN NEGRO), resuspender mediante vórtex y realizar un pulso de centrifuga
- 3) Pipetear 50 μl del **Positive Control (TAPÓN NARANJA)** en el tubo C3
- 4) Vórtex y pulso de centrifuga
- 5) Cambiar la punta y pipetear 50 μl del tubo C3 en el tubo C2
- 6) Vórtex y pulso de centrifuga
- 7) Repetir los pasos 5 y 6 con los tubos C2 a C1 para completar la dilución decimal seriada



Dilución decimal seriada	copias/ μl	copias en 5 μl
Positive Control (TAPÓN NARANJA)	2×10^3	10^4
Tubo C3	2×10^2	10^3
Tubo C2	2×10	10^2
Tubo C1	2	10

Pipetear 5 μl del molde en cada pocillo/tubo de acuerdo con la configuración de la placa. El volumen final en cada pocillo de reacción de qPCR es de 20 μl .

PROTOCOLO DE PCR

Es recomendable preparar una pre-mix de reacción en un tubo libre de nucleasas en un bloque frío, siguiendo las indicaciones de la siguiente tabla. Preparar suficiente pre-mix para el número de reacciones deseadas, incluyendo las muestras y los controles positivo/negativo necesarios para el experimento. La transcripción reversa se realiza en el mismo tubo mediante un protocolo One-Step para prevenir la contaminación, reducir errores y ahorrar materiales y tiempo.

Reactivo	Volumen
DNase/RNase free water (TAPÓN VERDE)	9 µl
GPS™-mix-RT (TAPÓN AZUL)	5 µl
TargetSpecies RT-qPCR Duplex-mix (TUBO ÁMBAR)	1 µl
Volumen de la pre-mix de reacción	15 µl

Una vez preparada, pipetear 15 µl de la pre-mix en cada pocillo/tubo de PCR, según su plataforma experimental.

Añadir 5 µl de muestra procesada o, en el caso de la curva de calibrado/control positivo, la correspondiente dilución del molde a cada tubo de PCR para alcanzar un volumen final de 20 µl.

Reactivo	Volumen
Pre-mix de reacción dispensada	15 µl
Muestra procesada (o DNase/RNase free water) ¹	5 µl
VOLUMEN FINAL DE REACCIÓN	20 µl

¹ En el caso del control negativo, añadir 5 µl de DNase/RNase free water (TAPÓN VERDE) en vez de muestra (ver Controles de Reacción Recomendados).

RÉGIMEN DE AMPLIFICACIÓN

Una vez todas las reacciones están preparadas y correctamente cerradas, realizar un vórtex y un pulso en la centrífuga. Colocar la placa o los tubos en el bloque/rotor del termociclador programado con el régimen térmico descrito en la tabla. Tener en cuenta que la señal fluorescente debe recogerse usando el canal FAM para **S gene**, el canal Cy5 para **N gene** y el canal HEX para el control interno. La sonda incluye un Dark Quencher que puede programarse como cualquier quencher no fluorescente (NFQ) en el software. Los reactivos de GPS™ son compatibles con todos los termocicladores de PCR a tiempo real del mercado. El uso de un marcador pasivo como el ROX no es necesario.

Fast-Cycling	Paso	Tiempo	Temperatura
40 Ciclos	Retrotranscripción	10 min	50 °C
	Activación	2 min	95 °C
	Desnaturalización	1 sec	95 °C
	Hibridación / Extensión y recolección de datos ^{1,2}	10 sec	60 °C

1 La señal de fluorescencia debe recogerse durante este paso usando el canal apropiado.

2 En los equipos que presenten limitaciones en los tiempos del paso de hibridación/elongación, se puede incrementar el tiempo a 30 segundos.

CONTROLES DE REACCIÓN RECOMENDADOS

Los siguientes controles de reacción de qPCR están recomendados en base a las directrices de la norma UNE/EN ISO 17025. Al poner a punto el protocolo de qPCR, seleccione los controles que considere que mejor se adapten a su sistema de calidad.

Control Negativo (Ctrl -): Añadir 5 µl de DNase/RNase free water (**TAPÓN VERDE**) a 15 µl de pre-mix de reacción. Esta reacción debería ser negativa. Un resultado positivo debe considerarse como un síntoma de contaminación en alguno de los reactivos, haciendo el ensayo poco concluyente. Los reactivos deben ser eliminados.

Control Positivo (Ctrl +): Preparar el **Positive Control** (**TAPÓN NARANJA**) como se describe arriba. Añadir 5 µl del Positive Control a 15 µl de pre-mix de reacción. Un resultado positivo indica que la qPCR funciona correctamente. Si es negativo, el ensayo debe ser repetido después de comprobar el protocolo térmico.

Control de Extracción Negativo (ExtCtrl -): Realizar una extracción siguiendo el protocolo sin añadir ningún tipo de muestra. Añadir 5 µl de la muestra de extracción negativa a 15 µl de la pre-mix de reacción. En este caso, el ensayo incluye los reactivos usados durante los pasos de extracción. Si es positivo, cuando el **Control Negativo** es negativo, una contaminación ha tenido lugar durante el proceso de extracción. Los reactivos de extracción deben ser eliminados.

Control de Extracción Positivo (ExtCtrl +): Realizar una extracción de acuerdo con el protocolo de extracción añadiendo 5 µl del **Positive Control** (**TAPÓN NARANJA**), o del material genético extraído de cultivo puro, al primer tampón del protocolo de extracción. El control de extracción positivo informa sobre el rendimiento del método de extracción utilizado. Es esperable un resultado positivo. Si fuese negativo, la extracción debe ser cuidadosamente repetida o el método de extracción reemplazado.

INTERPRETACIÓN DE RESULTADOS

Si se prepara la dilución decimal para la cuantificación, la regresión lineal del logaritmo del número de copias frente al Ct proporciona la intersección con el eje Y y la pendiente de la recta de calibrado (ecuación 1). El número de copias en la muestra se puede calcular basándonos en la regresión (ecuación 2).

$$Ct = Y \text{ intercept} + Slope \times \log(\text{copy number}) \quad (1)$$

$$\text{Copy number} = 10^{\frac{(Ct - Y \text{ intercept})}{Slope}} \quad (2)$$

Para obtener la cuantificación de la muestra directamente del equipo, la dilución decimal seriada debe definirse en el software del equipo de PCR como Standard con las copias correspondientes a cada dilución (ver PREPARACIÓN DE LA DILUCIÓN DECIMAL). La recta estándar puede definirse en número total de copias o en copias/ μL .

Para referir los valores obtenidos mediante qPCR al material de partida, por favor tenga en cuenta el volumen de elución tras la extracción, el volumen de muestra procesada y cualquier dilución realizada.

Ctrl -	Ctrl +	S gene	N gene	IC	ExtCtrl -	Interpretación
+	+ / -	+ / -	+ / -	+ / -	+ / -	Reactivos de PCR contaminados
-	-	+ / -	+ / -	+ / -	+ / -	Experimento fallido
-	+	+ / -	+ / -	+ / -	+	Contaminación durante extracción
-	+	-	-	+	-	Muestra negativa
-	+	+	-	+ / -	-	Positivo para S gene
-	+	+	+	+ / -	-	Positivo para ambas dianas
-	+	-	+	+ / -	-	Positivo para N gene
-	+	-	-	-	-	Inhibición de la PCR

Los símbolos + y - significan amplificación positiva o negativa, respectivamente.

Los primeros informes científicos indican que el SARS-CoV-2 genera un conjunto de RNA subgenómicos durante la replicación en las células huésped con diferentes números de copias según el gen. Mientras que el gen *S* se replica en pocas copias subgenómicas, el gen *N* se puede encontrar en más de 10 copias. En consecuencia, para la misma muestra, el ensayo del gen *N* (Cy5) puede mostrar valores de Ct más bajos que los obtenidos en el ensayo del gen *S* (FAM).

Si se observa inhibición, se recomienda una dilución de la muestra a 1/10 (si la concentración no está cerca del límite de detección) o la purificación de la muestra debe repetirse.

Por lo general, en una qPCR con una eficiencia del 100%, 37 ciclos son suficientes para amplificar menos de 10 copias. Eso no significa que Ct > 37 no tenga relevancia, pero para aceptar un valor de Ct más alto (expresión baja), hay más requisitos de laboratorio: prevención de la contaminación, control de los niveles de inhibición y verificación a lo largo del tiempo de las muestras con un positivo bajo. Esta evaluación debe ser realizada por el cliente con el protocolo completo, en su laboratorio, con su dispositivo qPCR, muestras y matrices. Solo así se puede establecer un criterio robusto.

EVALUACIÓN FUNCIONAMIENTO Y EVIDENCIA CLÍNICA

Sensibilidad analítica

Para la calibración y el análisis estadístico, el estudio de linealidad se realizó con seis rangos de una dilución decimal de 10^6 copias a 10 copias. Cada parámetro se analizó al menos 10 veces para lograr condiciones de reproducibilidad. El análisis estadístico requerido se realizó representando los datos de Ct de las diluciones contra el logaritmo del número de copias en un gráfico y los parámetros de la ecuación se determinaron para la Pendiente, la Intersección con el eje Y y la Eficiencia.

El análisis de regresión lineal rindió valores de los diferentes coeficientes para los 2 ensayos. Un resumen completo se incluye en la siguiente tabla.

	S gene	N gene
Pendiente	-3.406	-3.348
Y- Inter	38.610	38.754
Eficiencia	96.6 %	98.9 %
R ²	1.000	1.000

La validación del rendimiento de la regresión lineal se verificó con un modelo basado en la *prueba de Fisher* con un intervalo de confianza de 0.05. Los valores experimentales calculados fueron **0.030** y **2.824** (para S gene y N gene), menores que el valor teórico de Fisher (5.318).

Verificación del límite de detección (LOD)

Estimar el LOD implica conocer el menor número de unidades de la diana que generan resultados de amplificación positivos con un nivel de confianza del 90 %. Se analizaron un total de 15 reacciones. Se pueden detectar **10 copias** con un **100 %** de confianza para S gene y **100 %** para N gene.

Verificación del límite de cuantificación (LOQ)

Estimar el LOQ de la PCR implica conocer el menor número de unidades de la diana que generan un resultado repetible de cuantificación. La validación se basa en la prueba *T de Student*. Al menos hasta 10 copias de la diana pueden ser cuantificadas según los valores calculados a partir de 15 diluciones del molde. Los valores t_{values} experimentales obtenidos fueron **0.035** y **0.821** (*S* gene y *N* gene) inferiores al valor t_{student} de 2.145; validando el **LOQ** en **10 copias** para ambos ensayos.

Fiabilidad del análisis

La fiabilidad es la capacidad de un método para producir resultados libres de errores aleatorios. El parámetro se estima mediante la evaluación de la repetibilidad y la reproducibilidad del ensayo.

Repetibilidad. Se analizaron 10 réplicas de 1 dilución de seis rangos de la curva estándar ejecutados con el mismo dispositivo, día y técnico.

Reproducibilidad. Los valores obtenidos de las curvas estándar se elaboraron por diferentes técnicos, fechas y dispositivos. Los coeficientes de variación (CV) de la Repetibilidad y Reproducibilidad se detallan para cada nivel de la serie de diluciones.

Coeficiente de variación (CV)				
Copias	<i>S</i> gene		<i>N</i> gene	
	Repetibilidad	Reproducibilidad	Repetibilidad	Reproducibilidad
1000000	0.28 %	0.30 %	0.35 %	0.49 %
100000	0.36 %	0.33 %	0.37 %	0.30 %
10000	0.26 %	0.25 %	0.16 %	0.16 %
1000	0.29 %	0.28 %	0.26 %	0.23 %
100	0.42 %	0.58 %	0.42 %	1.36 %
10	1.57 %	1.66 %	0.97 %	1.03 %

Especificidad analítica

La especificidad es la capacidad del método para reconocer la diana específicamente y distinguirla de dianas similares. Para la inclusividad y exclusividad, se realizó una primera verificación *in silico* después del trabajo de diseño mediante búsqueda de similitud utilizando el software apropiado de las bases de datos del *National Center for Biotechnology Information* (NCBI) y del Global Initiative on Sharing All Influenza Data (GISAID). Además, una vez que se sintetizaron los cebadores, se evaluó la especificidad experimentalmente con seis genomas RNA sintéticos de diferentes linajes de SARS-CoV-2 (Wuhan and variants from UK, South Africa and Brazil) para la inclusividad. Todas las reacciones mostraron amplificación.

Evaluación clínica

Se analizaron un total de 145 muestras clínicas para calcular la Sensibilidad Diagnóstica (proporción de positivos identificados correctamente) y la Especificidad Diagnóstica (proporción de negativos identificados correctamente).

CoVID-19 N/S RT-qPCR Duplex		Técnica de referencia			
Muestras	145	Positivas	127	Negativos	18
Positivas	125	V. Positivos	125	F. Positivos	0
Negativas	20	F. Negativos	2	V. Negativos	18

La Sensibilidad Diagnóstica se evaluó con 127 muestras positivas, obteniéndose un valor de 98 % para todos los ensayos. La Especificidad Diagnóstica se evaluó con 18 muestras negativas, obteniéndose un valor de 100 %. La eficiencia Diagnóstica general fue de 99 %.

CERTIFICADO DE ANÁLISIS

Todos los lotes se calibran con una curva estándar de 10^6 a 10 copias de molde. Se evalúan diversos parámetros: Ct, pendiente, R^2 y eficiencia. Toda esta información está disponible en el **Quality Certification** proporcionado al cliente por GPS™.

REQUISITOS REGLAMENTARIOS

El producto cumple con lo dispuesto en el Real Decreto 1662/2000 (Directiva Europea 98/79/CE) por el que se regula la fabricación de productos sanitarios para Diagnóstico In Vitro.

INFORMACIÓN DE CONTACTO

Para cualquier pregunta y soporte técnico, contacte con nuestra dirección support@geneticpcr.com. Para presupuestos, pedidos o diseños para nuevas dianas, por favor contacte orders@geneticpcr.com.

SÍMBOLOS ARMONIZADOS Y ABREVIATURAS

DNA	Ácido desoxirribonucleico	qPCR	Reacción en cadena de la polimerasa a tiempo real
RNA	Ácido ribonucleico	RT	Transcripción reversa
RT-qPCR	Reacción en cadena de la polimerasa a tiempo real con transcripción reversa		



Diagnóstico In Vitro



Fabricante



Marcado CE



Fecha de fabricación



Número de lote



Fecha de caducidad



Precaución



Rango de temperatura



Consulte las instrucciones



Proteger de la exposición a la luz



Genetic PCR Solutions™

by GENETIC ANALYSIS STRATEGIES S.L

Av. Dr. Gómez-Pardo Ródenas, 1
03300-Orihuela (Alicante)

☎ Phone: +34-965429901

💻 Web: www.geneticpcr.com

✉ e-mail: info@geneticpcr.com

